

José Ramón Bilbao Catalá es Profesor Pleno de Genética en la UPV/EHU desde 2022 e Investigador Principal en el IIS Biocruces-Bizkaia. Licenciado en Biología por la Universidad del País Vasco UPV / EHU. Recibió formación en Microbiología, Inmunología y Genética en el Laboratorio de Microbiología de la Escuela de Enfermería de la UPV-EHU (1989-1992 - Prof. I Abalia), el Dpto. de Genética de la Universidad de Leicester-Reino Unido (1991 - Prof. PH Williams), Unidad de Investigación del Hospital Cruces (1992-2000 - Prof. L Castaño) y el Centro Barbara Davis for Childhood Diabetes en Denver, CO-USA (1995 - Prof. GS Eisenbarth). Obtuvo su doctorado en la UPV-EHU en 2000, con una tesis sobre autoinmunidad humoral en la diabetes tipo 1, y esos resultados se publicaron en las revistas Diabetes y Hormone Research.

Consiguió un contrato Miguel Servet en 2000 y comenzó su carrera como investigador independiente con un proyecto financiado por el ISCIII-FIS en 2001. Ha obtenido financiación continuada del Plan Nacional (6 proyectos del ISCIII + 1 del MCI) y del Gobierno Vasco (8 proyectos). Obtuvo la evaluación positiva I3SNS en 2006 y participó en el Programa del Sistema Nacional de Salud para la Estabilización de Investigadores (2007-2011) en el Hospital Universitario de Cruces. En 2011 se trasladó al Departamento de Genética, Antropología Física y Fisiología Animal de la UPV-EHU, y obtuvo un puesto permanente en 2012. Tiene evaluación positiva de 4 tramos de investigación (CNEAI). Ha sido miembro del Comité de Ética de Investigación Clínica del Hospital Cruces (2007-2017), del Comité de Ética en Investigación con Seres Humanos de la UPV/ EHU (2009-2014) y es miembro de la Comisión de Investigación del Instituto Biocruces-Bizkaia desde 2012. Ha dirigido 13 tesis doctorales (6 internacionales) y en la actualidad dirige otras 5. Ha publicado más de 100 artículos internacionales y tiene un índice h de 27 en el WOK.

Una de sus líneas de investigación se centra en la identificación de elementos funcionales en las regiones genómicas asociadas con la autoinmunidad, y específicamente con la enfermedad celiaca. Esta línea combina tecnologías ómicas (GWAS, RNA-Seq y metilación) de poblaciones celulares aisladas de tejidos humanos con enfoques bioinformáticos, y su grupo ha participado en los consorcios nacionales (CEGEC) e internacionales (CDIC, Medicel, Immunochip) del campo. Por otro lado, es responsable de los estudios genómicos de la cohorte INMA-Gipuzkoa y trabaja en la búsqueda de variaciones genéticas y epigenéticas relacionadas con la exposición a factores ambientales y a contaminantes, y su traducción fenotípica durante el desarrollo infantil. Esta línea de investigación tiene una gran proyección internacional, ya que está integrada con cohortes de nacimientos similares en otros lugares, y su grupo participa en estudios internacionales como EGG, MEDALL y PACE, entre otros.